

NGS-Library-Präparations-Kits

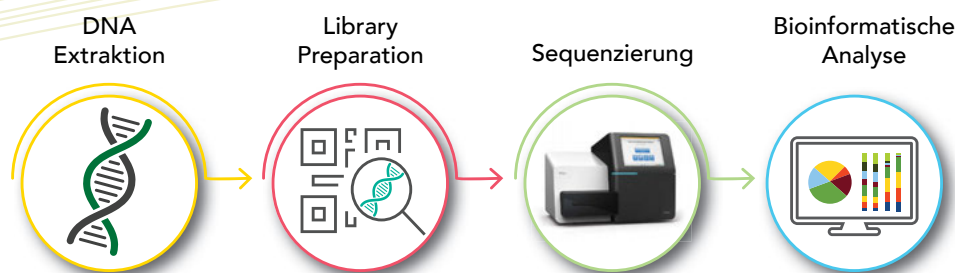
ANBIETER HERSTELLER	PRODUKT- NAME	NGS- PLATTFORM	PRÄPARA- TIONSZEIT	SONSTIGES, BESONDER- HEITEN, ALLGEMEINES	PREIS / EURO
Active Motif Waterloo (Belgien) www.activemotif.com Kontakt: Stefan Dillinger Tel. +49 941 99251135 eurotech@activemotif.com	Next Gen DNA Library Kit / Next Gen Indexing Kit	Illumina (MiSeq, HiSeq 2500, NextSeq 500)	60 min (plus Zeit für optionale PCR-Amplifikation)	Ab 10 pg DNA Ausgangsmaterial (500-mal weniger als vergleichbare Kits) Herstellung von PCR-freien Bibliotheken mit 100 ng DNA	550,- (plus 280,- für Indexing-Kit)
	YourSeq (FT & 3'DGE) Strand-Specific mRNA Library Prep Kit 24 CDI / 96 CDI	Illumina	4 h	Option für Full-Transcript (FT) oder 3'-Digital-Gene-Expression (DGE)-Sequenzierung Erhöhte Strang-Spezifität Erhältlich mit Combinatorial Dual Indexing (CDI) oder Unique Dual Indexing (UDI)	505,- 2.020,-
	YourSeq (FT & 3'DGE) Strand-Specific mRNA Library Prep Kit 24 UDI / 96 UDI	Illumina	4 h	Option für Full-Transcript (FT) oder 3'-Digital-Gene-Expression (DGE)-Sequenzierung Erhöhte Strang-Spezifität Erhältlich mit Combinatorial Dual Indexing (CDI) oder Unique Dual Indexing (UDI)	600,- 2.400,-
Baseclick Neuried www.baseclick.eu Kontakt: E. Schönegger Tel. +49 89 9699 3401 Orders@baseclick.eu	ClickTech Library Kit full-length mRNA_Seq	Oxford Nanopore, Pacific Biosciences, Illumina, BGI und andere	ca. 5 bis 6 h	Vollständige Transkriptom-Analyse von Krebs- und anderen Proben in voller Sequenzlänge von 5'-Ende bis zum 3'-Ende Generierte cDNA-Bibliotheken können mehrfach per PCR amplifiziert werden Bestimmung alternativer Spleiß-Varianten sowie der Exon-Intron-Organisation von Genen	720,-
BioCat Heidelberg www.biocat.com/ngs Kontakt: Sieke Schaepe Tel. +49 6221 7141516 info@biocat.com	NGS-Library-Präparations-Kits für viele verschiedene Anwendungen	Illumina und weitere	Abhängig vom NGS-Library-Präparations-Kit und von der verwendeten Technologie	RNA-seq (miRNA/small RNA) Target Capture Methyl-seq, CHIP-seq, Hi-C, CUTandRUN, CUTandTag Mikrobiom-Sequenzierung	Abhängig vom Kit
Biomol Hamburg www.biomol.de Kontakt: Edgar Lipsius Tel. +49 40-853260-37 e_lipsius@biomol.de	Mercurius BRB-seq Library Preparation Kit	Illumina	Gesamtzeit: ca. 7,5 h Hands-on-Time: 2 h 45 min	Für aufgereinigte RNA-Proben oder RNA aus Zellysaten Proben-spezifische Barcode-Sequenzen ermöglichen gleichzeitige Library-Präparationen von 96 RNA-Proben in einem Gefäß Eliminierung von PCR-Duplikaten mittels UMI (Unique Molecular Identifier)	2.035,-
	Mercurius Blood BRB-seq Library Preparation Kit	Illumina	Gesamtzeit: ca. 7,5 h Hands-on-Time: 2 h 45 min	s.o.	4.070,-
Biozym Scientific Hess. Oldendorf www.biozym.com Kontakt: Tel. +49 5152 9020 support@biozym.com Hersteller: siTOOLS Biotech	RiboPOOLS-rRNA Depletion Kits	Plattform-unabhängig	ca. 70 min	Basierend auf Hybridisierung rRNA-Depletion für unterschiedlichste Spezies (Säuger, Bakterien, Pflanzen, auch verschiedene Spezies in einer Probe) Kits für degradierte RNA (FFPE)	Ab 204,-
Devyser Butzbach www.devyser.com Kontakt: Tel. +49 6631 793 8803 knut.hamann@devyser.com	Devyser Lynch FAP NGS	Illumina MiniSeq, MiSeq und iSeq 100	Gesamtzeit: < 5 h, Hands-on-Time: 45 min, Laden des Sequenzierers an Tag 1	Single-Tube-Assay mit den folgenden Genen: <i>APC, CTNNB1, EPCAM, MLH1, MSH2, MSH6, MUTYH, PMS2, POLD1, POLE</i> Kombinierbar mit anderen Amplikon-basierten Panels Kit-Größen: 8, 24, 96	Abhängig von Kit- und Gesamtpanel-Größe
	Devyser BRCA NGS	Illumina MiniSeq, MiSeq und iSeq 100	s.o.	Single-Tube-Assay Volle und gleichmäßige Abdeckung aller Exone und Exon/Intron-Übergänge von <i>BRCA1</i> und <i>BRCA2</i> ; CE-IVD Kombinierbar mit anderen Amplikon-basierten Panels Kit-Größen: 8, 24, 96	s.o.
	Devyser HBOC NGS	Illumina MiniSeq, MiSeq und iSeq 100	s.o.	Single-Tube-Assay Gezielte Sequenzierung von 12 Genen: <i>ATM, BARD1, BRIP1, CDH1, CHEK2, NBN, PALB2, PTEN, RAD51C, RAD51D, STK11, TP53</i> (kann mit <i>BRCA1/2</i> kombiniert werden) Kombinierbar mit anderen Amplikon-basierten Panels CE-IVD Kit-Größen: 24, 48	s.o.
	Devyser CFTR NGS	Illumina MiniSeq, MiSeq und iSeq 100	Gesamtzeit: < 5 h, Hands-on-Time: 45 min, Laden des Sequenzierers an Tag 1	Single-Tube-Assay Sequenzierung des gesamten <i>CFTR</i> -Gens inklusive aller Exons und Exon/Intron-Übergänge, der Promoter-Region und klinisch relevanter intronischer Mutationen Kombinierbar mit Amplikon-basierten Panels CE-IVD Kit-Größen: 8, 24, 96	Abhängig von Kit- und Gesamtpanel-Größe

Produktübersicht

ANBIETER HERSTELLER	PRODUKT-NAME	NGS-PLATTFORM	PRÄPARATIONSZEIT	SONSTIGES, BESONDERHEITEN, ALLGEMEINES	PREIS / EURO
Devyser (Fortsetzung) Kontakt siehe Seite 52	Devyser FH NGS	Illumina MiniSeq, MiSeq und iSeq 100	s.o.	Single-Tube-Assay Umfassendes Gen-Panel für die Familiäre Hypercholesterinämie: <i>LDLR, APOB, PCSK9, LDLRAP1, APOE, STAP1</i> Kombinierbar mit anderen Amplikon-basierten Panels Kit-Größen: 24, 48	Abhängig von Kit- und Gesamt-panel-Größe
	Devyser Thalassemia NGS	Illumina MiniSeq, MiSeq und iSeq 100	s.o.	Single-Tube-Assay Amplikons über die alpha- und beta-Globin-Gencluster Kombinierbar mit anderen Amplikon-basierten Panels, CE-IVD Kit-Größen: 24, 48, 96	s.o.
	Devyser Chimerism NGS	Illumina MiniSeq, MiSeq und iSeq 100	s.o.	Single-Tube-Assay Detektiert Chimärismus mit einer Sensitivität bis zu 0,05 Prozent Kombinierbar mit anderen Amplikon-basierten Panels, CE-IVD Kit-Größen: 24, 48	s.o.
HiSS Diagnostics Freiburg www.hiss-dx.de Kontakt: Tel. +49 761 389 49 0 hiss@hiss-dx.de <i>Hersteller: PerkinElmer</i>	Nextflex Rapid DNA-seq Kit 2.0	Illumina	3 h 25 min	Multiplexing von bis zu 1.536 Proben Geringer Input, bis zu 1 ng PCR-freier Workflow möglich	292,- (8 Rkt.) 1.451,- (48) 2.670,- (96)
	Nextflex Rapid XP DNA-seq Kit	Illumina	3 h 25 min	One-Step-Protokoll für die Fragmentierung, Endreparatur und Adenylierung Kit enthält Fragmentierungs-Enzym und Cleanup/Size Selection Beads Multiplexing von bis zu 1.536 Proben	292,- (8 Rkt.) 1.451,- (48) 2.670,- (96)
	Nextflex Cell Free DNA-seq Kit 2.0	Illumina	2 h	Nur 1 ng DNA Input erforderlich Beschleunigter Workflow Multiplexing von bis zu 1.536 Proben	341,- (8 Rkt.) 1.547,- (48)
	Nextflex Bisulfite-seq Kit	Illumina	6 h 15 min	Einzel-Nukleotid-Auflösung von Methylierungs-Stellen Uracil-unempfindliche Polymerase Verbesserte Ligation	432,- (8 Rkt.) 1.997,- (48)
	Nextflex Rapid Directional RNA Kit 2.0	Illumina	6 h	Hohe Coverage-Uniformität mit geringer Duplikationsrate Optimiert für reverse Transkriptase und Cleanup /Size Selection Beads Multiplexing von bis zu 384 Proben	395,- (8 Rkt.) 2.120,- (48) 3.995,- (96)

Mikrobiom NGS-Service

Unverfälschte Mikrobiom-Analysen



Targeted Sequencing: 16S, ITS, 18S

- ✓ Probenprozessierung mit den bewährten ZymoBIOMICS-Technologien
- ✓ Mikrobielle Standards gewährleisten die Validität der generierten Daten
- ✓ Verschiedene, kombinierbare Zielregionen (V1-V2, V1-V3, V3-V4, V6-V8, ITS, 18S)
- ✓ Bestimmung der relativen und absoluten Abundanz (16S, ITS)
- ✓ Spezielle Bioinformatik und eigene Referenzdatenbank erlauben taxonomische Auflistung bis auf Spezies-Level
- ✓ Publikationsfertige Daten und Abbildungen

Ihr Service-Partner vor Ort!



ZYMO RESEARCH

'The Beauty of Science is to Make Things Simple'



www.zymoresearch.de



services@zymoresearch.de



+49 761 600 6871 0

NGS-Library-Präparations-Kits

ANBIETER HERSTELLER	PRODUKT- NAME	NGS- PLATTFORM	PRÄPARA- TIONSZEIT	SONSTIGES, BESONDER- HEITEN, ALLGEMEINES	PREIS / EURO
HiSS Diagnostics (Fortsetzung) Kontakt siehe Seite 53	Nextflex Small RNA-SEQ KIT V3	Illumina	1,5 bis 2 Tage	Automatisierte Gel-freie oder Low Input Small RNA Library Prep Ausgangsmaterial ≥ 200 ng Gesamt-RNA Deutlich reduzierter Ligation-Bias Multiplexing bis zu 48 Proben	618,- (8 Rkt.) 3.150,- (48) 7.710,- (96)
	Nextflex Combo-Seq mRNA/miRNA Kit	Illumina	7 h	Sequenzierung von Small RNA und mRNA Gel-freies Protokoll ab einer Menge von 5 ng Kompatibel mit Gesamt-RNA-Inputs, keine Poly(A)-Selektion oder rRNA-Abbau erforderlich	195,- (8 Rkt.) 915,- (48)
	Nextflex DNA-Seq Kit	Ion PGM & Ion Proton	3 h 45 min	Kits enthalten 8, 16, 32 oder 64 Unique Barcodes Vereinfachter Arbeitsablauf mit 96-Well-Platten Erstellung von ChIP-seq- und DNA-seq-Bibliotheken für Ion-Torrent-Sequenzierer	195,- (8 Rkt.) 915,- (48)
	Nextflex Cell-Free DNA-Seq Kit	Ion PGM & Ion Proton	1 h 45 min	1 bis 5 ng Zell-freie DNA als Input erforderlich Kits enthalten 8, 16, 32 oder 64 Unique Barcodes	915,- (48 Rkt.)
Macherey-Nagel Düren www.mn-net.com Kontakt: Tel. +49 2421 969 0 sales@mn-net.com	NucleoMag NGS Clean-up and Size Select	Kompatibel mit allen herkömmlichen NGS-Library-Prep-Workflows	40 bis 120 min	Effiziente Reinigung von NGS-Library-Präparationen Einstellbare Größenselektion Skalierbare Technik mit magnetischen Beads	560,- (50 ml)
New England Biolabs Frankfurt am Main www.neb-online.de Kontakt: Tel. +49 69 305 23140 0800 BIOLABS (246 5227) info.de@neb.com	NEBNext Ultra II FS DNA Library Prep Kit	Illumina	2,5 h gesamt, 15 min Hands-on-Time	DNA-Library-Prep mit integrierter Fragmentierung, zuverlässig und variabel Ab 100 pg Input-gDNA, cDNA, Amplicons etc. Kit mit oder ohne NEBNext Purification Beads, oder einzelne Module Adapter und Indexprimer separat erhältlich	665,- (24 Rkt.) 2.526,- (96)
	NEBNext Ultra II DNA Library Prep Kit	Illumina	2,5 h gesamt, 15 min Hands-on-Time	Der Maßstab für die NGS-DNA-Library-Prep bezüglich Ausbeute, Qualität und Protokollzeit Ab 500 pg Input vorfragmentierter gDNA, cfDNA, ChIP-Seq, kurze Amplicons, AT/GC-reich oder FFPE-DNA Kompatibel mit Target-Enrichment, automationsfreundlich	545,- (24 Rkt.) 2.085,- (96)
	NEBNext Ultra II DNA PCR-free Library Prep Kit	Illumina	2 h gesamt, 12 min Hands-on-Time	DNA-Library-Prep ohne PCR-Amplifikation mit konsistenter Abdeckung Ab 250 ng Input, für vorfragmentierte gDNA, cfDNA, ChIP-Seq, AT/GC-reich oder FFPE-DNA Unique-Dual-Index-UMI-Adaptoren separat erhältlich, s.u.	518,- (24 Rkt.) 1.980,- (96)
	NEBNext Ultra II FS DNA PCR-free Library Prep Kit	Illumina	2 h gesamt, 12 min Hands-on-Time	PCR-freie DNA-Library-Prep mit integrierter Fragmentierung Bereits ab 50 ng Input unfragmentierter DNA Gleichförmige enzymatische Fragmentierung unabhängig von GC-Gehalt, mindestens gleichwertig zu physikalischer Scherung	632,- (24 Rkt.) 2.399,- (96)
	NEBNext Multiplex Oligos for Illumina (Unique Dual Index UMI Adaptors DNA Set 1)	Illumina	Entsprechend NEBNext-Workflow	NEBNext-Adapter mit Unique Dual Index (UDI) sowie Unique Molecular Identifier (UMI) Geeignet für PCR-freie Library Prep und Pooling von bis zu 96 Proben UMI-Adapter für exakte Quantifizierung von Kopienzahlen in der Probe, Elimination von PCR-Duplikaten	682,- (96 Rkt.) 2.591,- (384)
	NEBNext Ultra II Directional RNA Library Prep Kit	Illumina	5,5 h gesamt, 30 min Hands-on-Time	Strang-spezifische RNA-Library-Prep dank dUTP-Methode, kombiniert mit NEBNext Ultra II DNA Library Prep Ab 10 ng Input Gesamt-RNA, kompatibel mit vorgeschalteter rRNA-Depletion oder mRNA-Isolierung Schlanke Arbeitsabläufe und automatisierte Protokolle	1.028,- (24 Rkt.) 3.495,- (96)
	NEBNext Ultra II RNA Library Prep Kit	Illumina	5,5 h gesamt, 30 min Hands-on-Time	Hohe Ausbeuten hochqualitativer Libraries auch bei geringer Probenqualität Wahlweise mit Beads oder in einzelnen Modulen Index-Adapter und -Primer f. diverse Multiplexing-Formate	980,- (24 Rkt.) 3.325,- (96)
	NEBNext rRNA Depletion Kits (Human/Mouse/Rat, Globin, Bacterial, Custom)	Plattform-unabhängig	2 h gesamt, 10 min Hands-on-Time	Mehr relevante Reads durch effiziente enzymatische Abreicherung der rRNA (>98%) Vollständiges Transkriptom inklusive nicht-codierender und fragmentierter RNA unabhängig von der Input-Qualität (RIN>1) Kompatibel mit jedem nachfolgenden cDNA-Synthese-Protokoll	297,- (6 Rkt.) 1.080,- (24) 3.885,- (96)
	NEBNext Poly(A) mRNA Magnetic Isolation Module	Plattform-unabhängig	45 min gesamt, 15 min Hands-on-Time	Anreicherung von Poly(A)-haltiger mRNA mit Oligo(dT)-gekoppelten magnetischen Beads mRNA-Anreicherung aus eukaryotischer Gesamt-RNA vor NGS-Library-Prep Einfacher Workflow, für manuelle oder automatische Prozessierung	71,- (24 Rkt.) 254,- (96)
	NEBNext Single Cell / Low Input RNA Library Prep Kit	Illumina	6 h gesamt, 30 min Hands-on-Time	Hochwertige Full-Length-RNA-Sequenzdaten direkt aus Einzelzellen Ab 2 pg bis 200 ng Gesamt-RNA Input oder sortierte Primär-/Kulturzellen Repräsentative Verteilung auch seltener Transkripte sowie uniforme Abdeckung	1.213,- (24 Rkt.) 4.024,- (96)

Produktübersicht

ANBIETER HERSTELLER	PRODUKT-NAME	NGS-PLATTFORM	PRÄPARATIONSZEIT	SONSTIGES, BESONDERHEITEN, ALLGEMEINES	PREIS / EURO
New England Biolabs (Fortsetzung) Kontakt siehe Seite 54	NEBNext Small RNA Library Prep Set	Illumina	5,5 h gesamt, 30 min Hands-on-Time	Small-RNA-Library-Prep direkt aus Gesamt-RNA ohne Anreicherung oder rRNA-Depletion Minimale Adapter-Dimer-Kontamination Hohe Ausbeuten methylierter und unmethylierter kleiner RNA	1.212,- (24 Rkt.) 4.121,- (96)
	NEBNext Enzymatic Methyl-Seq (EM-Seq) Kit	Illumina	6 h gesamt, 1 h Hands-on-Time	Bisulfit-freie Methode zur Methylom-Analyse liefert mehr CpGs mit weniger Reads Schonende enzymatische Konversion sorgt für längere Inserts, gleichmäßige GC-Abdeckung und Dinukleotid-Verteilung sowie bessere Mapping-Effizienz Inklusive EM-Seq-Adapter und Index-Primer sowie Sample Purification Beads, Module auch separat erhältlich	895,- (24 Rkt.) 3.360,- (96)
	NEBNext Immune Sequencing Kit (Human/Mouse)	Illumina	3 h gesamt, 15 min Hands-on-Time	Sequenzierung des Full-Length-Immun-Repertoires von B- und T-Zellen Genaue Quantifizierung der mRNA dank UMI-Markierung in der cDNA-Synthese Datenanalyse mittels Open-Source-pRESTO-Toolkit (Galaxy-Plattform)	1.680,- (24 Rkt.) 5.760,- (96)
	NEBNext ARTIC SARS-CoV-2 FS Library Prep Kit	Illumina	7 h gesamt, 25 min Hands-on-Time	Für Whole-Viral-Genome-Sequenzierung auf Multiplex-Amplicon-basiertem ARTIC-Ansatz Input 10 bis 10.000 Kopien, dennoch RT-Protokoll ohne Normalisierung Verbesserte und gleichmäßige Genom-Abdeckung auch bei neuen Virus-Varianten	408,- (24 Rkt.) 1.632,- (96)
	NEBNext ARTIC SARS-CoV-2 Companion Kit	Oxford Nanopore Technologies	7 h gesamt, 25 min Hands-on-Time	SARS-CoV-2-Sequenzierung auf ONT-Plattform Whole-Viral-Genome-Amplicon-Libraries in Kombination mit ONT-Produkten Auch im Bulk-Maßstab mit 2.304 Reaktionen erhältlich	192,- (24 Rkt.) 768,- (96)
	NEBNext Companion Module	Oxford Nanopore Technologies	Entsprechend ONT-Protokoll	Bundle-Produkt für Oxford-Nanopore-Technologies-Ligation-Sequencing-Protokolle SQK-LSK109/110 Vereinfachte Bestellung und Lagerführung Komponenten und Volumen auf ONT-Protokolle angepasst, dadurch keine überflüssigen Reagenzien, weniger Abfall	920,- (24 Rkt.)
	NEBNext Direct Genotyping Solution	Illumina	7 h gesamt, 30 min Hands-on-Time	SNP-Genotyping-by-Sequencing im Hochdurchsatz: Bestimmt 100–5.000 Marker in bis zu 9.160 Proben pro Sequenzier-Lauf Hybridisierungs-basiertes Target-Enrichment mit kundenspezifischem Bait-Pool-Design Hohe Spezifität und gleichmäßige Abdeckung	Projekt-abhängig
	NEBNext Multiplex Oligo Primer Sets	Illumina	Entsprechend NEBNext-Workflow	Multiplex-Adapter und Index-Primer für jede Projektgröße Höchste Ligationseffizienz durch NEBNext-Hairpin-Adapter Flexibles Multiplexing von 2 bis 480 Proben mit Unique-Dual-Index-Paaren	107,- (24 Rkt.)



You'll be thrilled to pieces.



Weitere Informationen finden Sie unter:

www.neb.com/E7435



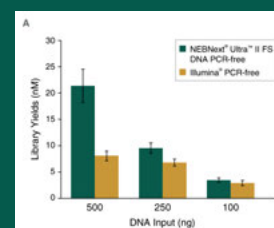
be INSPIRED
drive DISCOVERY
stay GENUINE

NEBNext® Ultra™ II (FS) DNA Library Prep Kits

Jetzt auch mit **PCR-freien** Workflows!

Mit dem neuen NEBNext Ultra II FS DNA PCR-free Library Prep Kit nutzen Sie die Vorteile der NEBNext Ultra II Technologie ohne PCR-basierten Amplifikationsschritt. Das Kit wird für intakte DNA mit flexiblen Input-Mengen von 50 ng bis 500 ng eingesetzt.

Für bereits fragmentierte DNA nutzen Sie das entsprechende NEBNext Ultra II DNA PCR-free Library Prep Kit ohne Fragmentierungssystem.



Erzielen Sie höchste Ausbeuten mit dem NEBNext Ultra II FS DNA PCR-free Library Preparation Kit.

NGS-Library-Präparations-Kits

ANBIETER HERSTELLER	PRODUKT- NAME	NGS- PLATTFORM	PRÄPARA- TIONSZEIT	SONSTIGES, BESONDER- HEITEN, ALLGEMEINES	PREIS / EURO
Nucleus Biotech Heidelberg www.nucleusbiotech.com Kontakt: Tel. +49 6221-426-3470 elke.gamer@nucleusbiotech.com	CleanPlex SARS-CoV-2 FLEX Panel	Illumina und Ion Torrent	5,5 h gesamt 60 min Hands-on-Time	Amplikon-Panel für SARS-CoV-2-Genomsequenzierung Erfassung aller SARS-CoV-2-Varianten inkl. Omicron Spezielle degenerierte Primer, optimiert für die Sequenzierung von bekannten und neuen Virusmutationen	746,- (8 Rkt.) 5.138,- (96) 19.542,- (384 Rkt.)
	CleanPlex OncoZoom Cancer Hotspot NGS Panel	Illumina und Ion Torrent	3 h gesamt 75 min Hands-on-Time	Multiplex-basierter Targeted-Library-Prep-Kit Profiling von mehr als 2.900 Hotspots in 65 Krebs-assoziierten Genen Hohe Performance auch bei geringer Probenmenge (100 pg DNA; ctDNA-, cfDNA- und FFPE-Proben)	1.096,- (8 Rkt.) 7.932,- (96)
	CleanPlex UMI Lung Cancer NGS Panel	Illumina	3,5 h gesamt 85 min Hands-on-Time	Multiplex-basierter Targeted-Library-Prep-Kit Profiling von Hotspots in 23 Lungenkrebs-assoziierten Genen Detektion seltener Sequenzvarianten Geeignet für Flüssigbiopsie	1.960,- (8 Rkt.) 6.720,- (32)
	TELL-Seq WGS Library Prep Kit	Illumina	Einfaches Single-Tube-Protokoll: 3 Stunden	Barcoded-Linked-Reads Mehr als 100 kb Long-Read-Sequenzinformationen, generiert mit Short-Read-Sequenzierungs-Plattformen Anwendung: Haplotype Phasing und Genome Assembly 0,1–5 ng gDNA Ausgangsmaterial	1.240,- (4 bis 12 Rkt.) 4.775,- (24 bis 72 Rkt.)
	Proximo Hi-C Kits	Illumina	1 bis 2 Tage	Erfassung der Chromosomenkonformation durch Hi-C-Sequenzierung Haplotype Phasing, Genome Assembly sowie Genom- und Chromatin-3D-Analyse FALCON-Phase Open-Source-Software Kits für humane & tierische Proben, Pflanzen und Pilze	1.250,- (2 Rkt.) 2.100,- (4)
	ProxiMeta Hi-C Kit	Illumina	1 bis 2 Tage	Herstellung von Proximity-Ligation-Bibliotheken aus Mikrobiom-Proben Assemblierung hunderter hochqualitativer Metagenome aus komplexen Mikrobiomen Inkl. Datenanalyse-Paket	4.350,- (8 Rkt.)
	NGS Prep Kit for sgRNA Libraries	Illumina	1 Tag gesamt 2 bis 3 h Hands-on-Time	Gezielte Amplikon-basierte Sequenzierung der Effektor-sgRNA nach einem CRISPR-Screen Verfügbar für alle Cellalecta-sgRNA-Bibliotheken sowie für GeCKO- und Brunello-sgRNA-Bibliotheken Alignment-Software enthalten	1.150,- (48 Rkt.)
	RBP-eCLIP Library Prep Kit	Illumina	4 bis 6 Tage	IP von RBP-RNA-Komplexen mit anschließender Sequenzierung RBP-Bindungsstellen werden präzise bis auf ein Nukleotid genau identifiziert 1.000-fach höhere Effizienz im Vergleich zu Standard-iCLIP-seq Datenanalyse optional	2.143,- (8 Rkt.) 2.845,- (mit Datenanalys.)
	m6A-eCLIP Kit	Illumina	4 bis 6 Tage	IP von m6A-Antikörper-mRNA-Komplexen mit anschließender Sequenzierung Effiziente Bestimmung von m6A-RNA-Modifizierungen 40-mal sensitiver als meRIP-seq Genau und reproduzierbar auf Einzelnukleotid-Ebene	2.345,- (8 Rkt.) 3.045,- (mit Datenanalys.)
	5' and 3' UTR-Seq Kits	Illumina	3 Tage	Genomweite Kartierung der 5'- und 3'-Transkriptions-Enden und Identifizierung neuer Isoformen Genau und reproduzierbar auf Einzelnukleotid-Ebene Einfach, 3 µg Gesamt-RNA als Ausgangsmaterial	1.630,- (8 Rkt.) 2.630,- (mit Datenanalys.)
	DriverMap Targeted Expression Profiling Kit (Human)	Illumina	1 Tag gesamt 2 bis 3 h Hands-on-Time	Genomweite Expressionsanalyse mittels Multiplex-RT-PCR-Amplifikation und anschließender Sequenzierung Einfache Single-Tube-Anwendung Höhere Sensitivität als RNA-Seq 10 pg Gesamt-RNA als Ausgangsmaterial	1.582,- (24 Rkt.) 5.995,- (96)
Quantabio Beverly (USA) www.quantabio.com Kontakt: Daniel.dehm@quantabio.com <i>Vertrieb:</i> VWR International Darmstadt Kontakt: Thomas Feulner Thomas.Feulner@avantorsciences.com	sparQ RNA-Seq HMR Kit	Illumina	5 h	Drei Tubes, neun Schritte und neun Komponenten für den gesamten Workflow Integrierte rRNA- und Globin-mRNA-Depletion für vielfältige Proben aus Mensch, Maus und Ratte Hohe Ausbeute und beste Qualität auch bei niedrigem RIN (3,5)-Wert und geringem Input (10 ng FFPE, 1 ng Sonstige)	1.876,- (24 Rkt.) 6.800,- (96)
	sparQ DNA Frag & Library Prep Kit	Illumina	2,5 h	Zwei Schritte und hohe Ausbeute bei minimaler Hands-on-Time 1 ng bis 1 µg DNA-Input Präzise und reproduzierbare enzymatische Fragmentierung auch für automatisierte Workflows	593,- (24 Rkt.) 2.280,- (96)
	sparQ DNA Library Prep Kit	Illumina	2,5 h	PCR-freier Workflow ab 100 ng DNA und Input von 250 pg bis 1 µg 1-Tube-Ansatz mit 30 min Hands-on-Time Optimierte Chemie für maximale Ligations-Effizienz und hohe Ausbeute	509,- (24 Rkt.) 1.898,- (96)
	repliQa HiFi ToughMix	ONT, PacBio	1 sec für 1 kb	Long-Range-Amplifikation, über 24 kb gDNA, über 40 kb λDNA Proof-Reading über 90-mal besser als bei Wildtyp-Taq Tough-Puffer für hohe Inhibitor-Resistenz	43,- (25 Rkt.) 177,- (100) 881,- (500)
	qScript Ultra Flex Kit	ONT, PacBio	10 min	Bis 20 kb lange Transkripte Erhöhte Thermostabilität bis 65°C Hohe Inhibitor-Resistenz (Salze, Heparin, Hämatin etc.) und maximale Ausbeute auch bei qualitativ schlechten Proben	161,- (25 Rkt.) 506,- (100)

Produktübersicht

ANBIETER HERSTELLER	PRODUKT- NAME	NGS- PLATTFORM	PRÄPARA- TIONSZEIT	SONSTIGES, BESONDER- HEITEN, ALLGEMEINES	PREIS / EURO
seqWell Inc. Beverly (USA) www.seqwell.com Kontakt: Vanessa Di Pasca Tel. +49 173 4264996 vanessa.dipasca@seqwell.com	plexWell 96 plexWell 384 plexWell Plus 24	Illumina	190 min für 96 Proben (55 min Hands-on-Time)	Combinatorial Indexing mittels Transposase Autonormalisierung inklusive Kleinere Genome, Amplicons und Plasmide	Ab 13,- je Probe
	plexWell Rapid Single Cell	Illumina	1 Tag für 96 Proben	Einzelzell-Transkriptom-Sequenzierung Basierend auf SMART-seq2 Für Einzelzellen und isolierte RNA	Ab 20,- je Probe
	plexWell LP 384	Illumina	190 min für 96 Proben (55 min Hands-on-Time)	Low-Pass-WGS für große Genome (zum Beispiel Human 2-3X)	Ab 13,- je Probe
	plexWell WGS 24	Illumina	185 min für 24 Proben (50 min Hands-on-Time)	200 ng Input für humane gDNA Duplication-Rate unter sechs Prozent für humane gDNA bei 30X Tiefe	Ab 30,- je Probe
	purePlex DNA Library Prep Kit	Illumina	150 min für 96 Proben (45 min Hands-on-Time)	Unique Dual Indexing Autonormalisierung inklusive Verringerter GC-Bias	Ab 20,- je Probe
Sigma-Aldrich Chemie Taufkirchen www.SigmaAldrich.com Kontakt: Tel. +49 800 6271150 technicherservice@merckgroup.com	SeqPlex Enhanced DNA Amplification Kit	Illumina	--	Random-Priming amplifiziert fragmentierte DNA von ChIP- oder FFPE-Proben, ab 100 pg ChIP-DNA Verbesserte Primer, vollständige Abdeckung des Genoms, minimaler Sequenzier-Bias Entfernung der Primer, ideale Amplicon-Größe für NGS	301,- (10 Rkt.) 1.220,- (50) 9.240,- (500)
	SeqPlex RNA Amplification Kit	Alle NGS-Plattformen außer Pacific Bioscience	Amplifiziert ds-cDNA in weniger als 8 h	Kleine Ausgangsmengen an Gesamt-RNA; Random-Priming amplifiziert fragmentierte oder intakte RNA aus allen Quellen Semi-degeneriertes Library-Primer-Design verbessert Transkriptom-Coverage und Priming Keine Fragmentierung der DNA nötig	824,- (10 Rkt.) 3.650,- (50) 19.140,- (500)
	RealSeq-AC RNA Library Preparation Kit	Illumina	--	Signifikante Reduktion des Sequenzier-Bias bei der Sequenzierung kleiner RNAs Genaue Quantifizierung biologisch relevanter kleiner RNAs Effizienter Nachweis neuer kleiner RNAs	988,- (12 Libraries)
Tecan Deutschland Crailsheim www.tecan.com Kontakt: Tel. +49 79 51 94 17 0 info-de@tecan.com	Revelo RNA-Seq High Sensitivity	Illumina	~ 6,5 h	DimerFree-Technik eliminiert Primer-Dimere SPIABoost-Technologie Geringe Ausgangsmengen, auch für degradierte Proben	Auf Anfrage
	Universal Plus Total RNA-Seq with NuQuant	Illumina	~ 8,15 h	DimerFree-Technik eliminiert Primer-Dimere Targeted-Depletion An Kundenbedürfnisse anpassbar	Auf Anfrage
	Universal Plus mRNA-Seq with NuQuant	Illumina	~ 7,10 h	DimerFree-Technik eliminiert Primer-Dimere Targeted-Depletion An Kundenbedürfnisse anpassbar	Auf Anfrage

Make a Great Library.

DNA size selection is a key aspect of many NGS workflows. The PippinHT not only automates this step, but improves the quality of results. For short-read sequencing or long-range genomics, make your library great.

PippinHT DNA Size Selection System

- Precise and Reproducible
- Up to 24 Samples per Run

sage science
www.sagescience.com

Biozym
SCIENCE IS OUR BUSINESS
www.biozym.com

NGS-Library-Präparations-Kits

Produktübersicht

ANBIETER HERSTELLER	PRODUKT- NAME	NGS- PLATTFORM	PRÄPARA- TIONSZEIT	SONSTIGES, BESONDER- HEITEN, ALLGEMEINES	PREIS / EURO
Tecan (Fortsetzung) Kontakt siehe Seite 57	Universal Prokaryotic RNA-Seq	Illumina	~ 7 h	DimerFree-Technik eliminiert Primer-Dimere Targeted-Depletion An Kundenbedürfnisse anpassbar	Auf Anfrage
	Solo RNA-Seq System	Illumina	~5,5 h Hands-on-Time	Sehr niedrige Ausgangsmengen Auch für degradierte Proben DimerFree-Technik eliminiert Primer-Dimere	Auf Anfrage
	RNA-Seq System V2	Illumina	~ 4,5 h	Sehr niedrige Ausgangsmengen Auch für degradierte Proben DimerFree-Technik eliminiert Primer-Dimere	Auf Anfrage
	Celero DNA-Seq	Illumina	~ 3,5 h	Mechanische Fragmentierung Hochdurchsatz-Multiplexing Modular	Auf Anfrage
	Celero EZ DNA-Seq	Illumina	~ 3,5 h	Enzymatische Fragmentierung Hochdurchsatz-Multiplexing Modular	Auf Anfrage
	Rapid EZ DNA-Seq	Illumina	~ 2,5 h	PCR-frei	Auf Anfrage
	Ultralow DNA-Seq V2	Illumina	~ 4 h	Äußerst geringe Ausgangsmengen Auch für degradierte Proben DimerFree-Technik eliminiert Primer-Dimere	Auf Anfrage
	Allegro Targeted Genotyping V2	Illumina	~ 1,5 Tage	An Kundenbedürfnisse anpassbar Hochdurchsatz-Multiplexing DimerFree-Technik eliminiert Primer-Dimere	Auf Anfrage
	Ultralow Methyl-Seq with TrueMethyl oxBS	Illumina	~ 9,25 h	Oxidative-Bisulfit-Sequenzierung Auch für degradierte Proben DimerFree-Technik eliminiert Primer-Dimere	Auf Anfrage
	RRBS Methyl-Seq with TrueMethyl oxBS	Illumina	~ 9 h	Oxidative-Bisulfit-Sequenzierung DimerFree-Technik eliminiert Primer-Dimere	Auf Anfrage
	Truemethyl oxBS	Illumina	~ 2,25 h	Oxidative-Bisulfit-Sequenzierung DimerFree-Technik eliminiert Primer-Dimere	Auf Anfrage
Zymo Research Europe Freiburg im Breisgau www.zymoresearch.de Kontakt: Tel. +49 761 60068710 sales@zymoresearch.de	Quick-16S NGS Library Prep Kit	Illumina MiSeq	1,5 h Hands-on-Time	Tapestation-Analyse oder AMPure-Bereinigungen unnötig Verringerung von PCR-Chimären durch RT-PCR Erhöhung der phylogenetischen Abdeckung von Bakterien und Archaeen durch Primer-Sets	995,- (96 Rkt.)
	Quick-16S Plus NGS Library Prep Kit (V3-V4)	Illumina MiSeq	30 min Hands-on-Time	NGS-Library-Prep für die V3-V4-Region des 16S-rRNA-Gens Hochdurchsatz-Sequenzierung Automatisierungsfreundliches Protokoll Kombinierte gezielte Amplifikation und Barcode-Addition AMPure-Bead-basierte Clean-ups nicht nötig	1.200,- (96 Rkt.)
	Quick-ITS Plus NGS Library Prep Kit	Illumina MiSeq	30 min Hands-on-Time	Einfachste und schnellste Library-Prep-Methode Untersuchung der Zusammensetzung des Mykobioms (Pilze) ITS-rRNA-Sequenzierung im Hochdurchsatz	1.200,- (96 Rkt.)
	Zymo-Seq WGBS Library Kit	Illumina	Ca. 4 h	Whole-Genome-Bisulfite (WGBS)-Library-Prep Vermeidung systematischer Fehler Einfaches Protokoll, präzise Erfassung der Methylierungen Reproduzierbare Genom-Abdeckung (über 90 Prozent der CpG-Stellen in Säugetierproben)	889,- (96 Rkt)
	Pico Methyl-Seq Library Prep Kit	Illumina	Wenige Stunden	All-inclusive-Kit für die Bisulfit-Konvertierung und anschließende Whole-Genome-Bisulfit-Sequenzierung (WGBS) Niedriger DNA-Input, kompatibel mit FFPE-Proben Ligations- und Gel-freies Protokoll	680,- (10 Rkt.) 1.360,- (25)
	RRHP 5-hmC Library Prep Kit	Illumina	Abhängig vom MspI-Verdau	Komplettlösung Genomweite Analyse von 5-Hydroxymethylcytosin (5-hmC)-Positionen Einzelbasen-Auflösung Geringer DNA-Input möglich (unter 100 ng)	990,- (12 Rkt.) 1.680,- (25)
	Zymo-Seq RRBS Library Kit	Illumina (außer HiSeq-X-Serie)	Ca. 90 min Hands-on-Time	Etwa 10 Prozent Reads nötig im Vergleich zu WGBS Abdeckung über 70 Prozent der Promotoren, CpG-Inseln und Genkörper, etwa 35 Prozent der Enhancer DNA-Methylierungs-Screening mit hohem Durchsatz, Einzel-Nukleotid-Auflösung	1.200,- (24 Rkt.) 2.250,- (48)
	Zymo-Seq RiboFree Total RNA Library Kit	Illumina	Ca. 3,5 h	Stranded-RiboFree-Libraries Probe-free-Technologie	990,- (12 Rkt.) 6.950,- (96)
	Zymo-Seq RiboFree Universal cDNA Kit	Input für diverse Library-Prep-Kits	Ca. 1,5 h (von RNA zu Einzelstrang-cDNA)	First-Strand-cDNA rRNA- und Globin-Depletion RNA aus allen biologischen Proben und Geweben (einschließlich Vollblut) Keine Organismus-spezifischen Sonden zur Entfernung von rRNA und Globin nötig	495,- (12 Rkt.)